

## التصحيح النموذجي لامتحان الفصل الأول

العلامة		تصحيح مفصل								
مجموع	مجزأة	<div style="border: 1px solid black; border-radius: 15px; padding: 5px; display: inline-block; background-color: #FFF9C4;">10 نقاط</div> <b>التمرين الأول :</b>								
1	4 * 0.25	<p><b>I - 1- تعرف على الأشكال الوثيقة (1):</b></p> <ul style="list-style-type: none"> <li>- الشكل (أ): تتابع سلسلتي <math>\beta</math> للهيموغلوبين A و S.</li> <li>- الشكل (ب): مخطط يوضح آلية الترجمة.</li> <li>- الشكل (ج): بنية جزيئة ADN</li> <li>- الشكل (د): الترجمة على مستوى البوليزوم.</li> </ul>								
3	12 * 0.25	<p><b>2- التعرف على العناصر المرقمة :</b></p> <p>الشكل (ب): 1 - ARNt. 2- رامزة مضادة. 3- رابطة بيتيدية. 4- عديد بيتيد. 5- تحت وحدة كبرى.</p> <p>6- ARNm. 7- تحت وحدة صغرى.</p> <p>الشكل (ج): 1 - حمض فوسفوريك. 2- نكلوتيدة. 3- رابطة هيدروجينية. 4- ديوكسي ريبوز.</p> <p>الشكل (د): 1- ريبوزوم. 2- ARNm.</p>								
0.75	3 * 0.25	<p><b>3 - ناتج الإماهة الجزئية:</b> نكلوزيدة + حمض فوسفوريك. <u>ناتج الإماهة لكلية:</u> قاعدة + ديوكسي ريبوز + حمض فوسفوريك.</p>								
0.5	0.5	<p><b>4 - أ عدد القواعد :</b> عدد الأحماض الأمينية <math>3 \times 147</math> (عدد القواعد الأزوتية لكل رامزة) + 3 (ثلاثية التوقف).                  علما أن Met محتسب ضمن 147 كما هو مبين في الشكل (أ) = 444.</p>								
1	2 * 0.5	<p><b>ب- تمثيل ARNm المشرف على تركيب Hba و Hbs:</b></p> <table border="1" style="width: 100%; border-collapse: collapse; text-align: center;"> <tr> <td style="background-color: #FFD700; padding: 5px;">Hba</td> <td style="padding: 5px;"><b>MetValHisLeuThrProGluGluLysSerAla</b></td> </tr> <tr> <td style="background-color: #90EE90; padding: 5px;">ARNm</td> <td style="padding: 5px;">AUG-GUG-CAC-CUG-ACU-CCU-GAG-GAG-AAG-UCU-GCC</td> </tr> <tr> <td style="background-color: #FFD700; padding: 5px;">Hbs</td> <td style="padding: 5px;"><b>MetValHisLeuThrProValGluLysSerAla</b></td> </tr> <tr> <td style="background-color: #90EE90; padding: 5px;">ARNm</td> <td style="padding: 5px;">AUG-GUG-CAC-CUG-ACU-CCU-GUG-GAG-AAG-UCU-GCC</td> </tr> </table>	Hba	<b>MetValHisLeuThrProGluGluLysSerAla</b>	ARNm	AUG-GUG-CAC-CUG-ACU-CCU-GAG-GAG-AAG-UCU-GCC	Hbs	<b>MetValHisLeuThrProValGluLysSerAla</b>	ARNm	AUG-GUG-CAC-CUG-ACU-CCU-GUG-GAG-AAG-UCU-GCC
Hba	<b>MetValHisLeuThrProGluGluLysSerAla</b>									
ARNm	AUG-GUG-CAC-CUG-ACU-CCU-GAG-GAG-AAG-UCU-GCC									
Hbs	<b>MetValHisLeuThrProValGluLysSerAla</b>									
ARNm	AUG-GUG-CAC-CUG-ACU-CCU-GUG-GAG-AAG-UCU-GCC									
0.5	0.5	<p><b>ج- التغير الحادث على مستوى المورثة المشرفة:</b> تم على مستوى القاعدة الثانية في الثلاثية السابعة حيث استبدلت القاعدة T بالقاعدة A.</p>								
0.5	2 * 0.25	<p><b>5 - الظاهرة التي يظهرها الشكل (د) الكائنات معنى بها :</b>                  هي حقيقيات النواة و مقرها الشبكة الهيولية الفعالة. (لأن شكل البوليزوم منتظم نتجة الاستقرار الناتج عن تثبيت الريبوزومات على الشبكة ه الفعالة).</p>								
1	4 * 0.25	<p><b>II - 1 - تمثيل صيغة العنصر (4) من الوثيقة (2) :</b></p> <div style="border: 1px solid black; padding: 10px; text-align: center;"> <p style="text-align: center;"> <span style="color: red; font-weight: bold;">رابطتان</span>  <span style="color: red; font-weight: bold;">بيتيدتان</span> </p> <p style="text-align: center; border: 1px dashed black; padding: 5px; display: inline-block;"> <span style="color: red; font-weight: bold;">ثلاثي بيتيد</span> </p> </div>								
1	صحة الصفة الكيميائية + الإشارة الى الروابط الببتيدية + التسمية									

## 2- التعرف على بقع الأحماض الأمينية ( أ ، ب ، ج ) :

- تمثل البقعة ( أ ) : حمض الأميني الفالين ، بينما البقعة ( ب ) : هي الحمض الأميني الأسبارجين

**التعليل :** لأن  $PH < PHi$  الوسط سلوكا سلوك القاعدة في الوسط ذو  $PH = 4$  فاكسب شحنة موجبة (+) واتجه نحو القطب السالب (-) مع العلم أن شحنة الفالين أكبر لأن فرق الحموضة أكبر القاعدة (أي كلما كان الفارق بين  $PH$  الوسط و  $PHi$  للحمض الأميني كبيرا كلما كانت هجرة هذا الحمض كبيرة جهة أحد القطبين تبعاً لشحنته ) .

- أما البقعة ( ج ) فتمثل الحمض الأميني الأسباراتيك **التعليل :** لأن  $PH > PHi$  الوسط سلك سلوك الحمض في الوسط ذو  $PH = 4$  فاكسب شحنة سالبة (-) واتجه نحو القطب الموجبة (+)

10 نقاط

## التمرين الثاني :

1 - 1 - ان العنصر (1) من الشكل (1) الخاص بالوثيقة (1) : يمثل الموقع الفعال من أنزيم الليزوزوم .  
**خصائصه :-** حيز صغير من الانزيم يمثل موقع الارتباط بالركيزة (مادة التفاعل)

- يتكامل بنيويا مع مادة التفاعل

- يتكون من عدد و نوع و ترتيب معين من الأحماض الأمينية ليست على التسلسل على حسب المعلومة المورثة

- يتكون من موقعين : موقع التثبيت لتثبيت مادة التفاعل ، و موقع التحفيز للتأثير على مادة التفاعل

2- يعود تقارب الأحماض الأمينية في الشكل (1) رغم تباعدها في الشكل (2) الى إنطواء السلسلة الببتيدية و تشكل روابط مختلفة ، مما يجعل الأحماض الأمينية المشكلة للموقع الفعال ليست متتالية كما في السلسلة الخطية .

## 3 - تفسير اختلاف نشاط الانزيمين الطافرين :

### • في حالة الانزيم الطافر LYZ 35 :

تم استبدال الحمض الأميني رقم 35 بحمض أميني آخر و هذا الحمض الأميني يدخل في تركيب الموقع الفعال للإنزيم مما يؤدي الى تشوّهه (أي يحدث عدم التكامل بين الركيزة و الموقع الفعال) أو تصبح المجموعة الطرفية للحمض الأميني (R) رقم 35 الجديدة لا تستطيع التأثير على الركيزة و بالتالي لا يحدث التحفيز الانزيمي في هذه الحالة .

### • في حالة الانزيم الطافر LYZ 124 :

استمر نشاط هذا الانزيم بنفس كفاءة الانزيم الطبيعي و هذا راجع الى أن هذا الحمض الأميني لا ينتمي الى الموقع الفعال فلا يؤثر هذا على التحفيز الانزيمي عند هذا الانزيم الطافر

## II - 1 - استخراج تأثير كل مؤثر :

**الحالة A :** يؤدي المؤثر X الى تخفيض سرعة التفاعل و لكنه لا يغير في السرعة القصوى ( $V_{MAX}$ ) ، يلاحظ أنه كلما زادت كمية المؤثر كلما زاد الانخفاض في السرعة الابتدائية .

- **الحالة B :** يؤدي المؤثر Y الى انخفاض سرعة التفاعل الانزيمي و تغيير في السرعة القصوى ( $V_{MAX}$ ) التي يزداد تناقصها بزيادة كمية المؤثر في الوسط .

## 2- تفسير تطور سرعة التفاعل V نحو قيمة قصوى بزيادة تركيز الركيزة S :

يرجع هذا التطور نحو سرعة ( $V_{MAX}$ ) الى كون أن كلما زاد تركيز الركيزة في الوسط الذي يحتوي على تركيز ثابت للإنزيم

كلما زاد عدد الجزيئات الانزيمية المتدخلة في التفاعل بحيث تصبح سرعة التفاعل ذات قيمة قصوى عندما تكون كل الجزيئات الإنزيمية مشغولة (( تسمى الظاهرة بالتشبع ))

التعرف على  
البقع 0.75  
+  
التعليل  
1

1.75

0.25  
+  
1

1.25

1

2 \* 0.5

2

1 + 1

2

1 + 1

1.25

0.25 + 1

### 3 - استنتاج كيفية تأثير كل مؤثر :

- نستنتج أن المادة X مبطئة للنشاط الانزيمي لأنها منافسة لمادة التفاعل S على الموقع الفعال
- نستنتج أن المادة Y مانعة (مببطة) للنشاط الانزيمي فهي معيقة لإرتباط مادة التفاعل S بالموقع الفعال
- 

### 4- تقديم فرضية تفسيرية لتأثير كل مؤثر :

- في الحالة A : المؤثر X مركب تشبه بنيته مادة التفاعل مما يسمح له بالدخول في التنافس مع الركيزة S و ذلك بتثبته على الموقع الفعال للإنزيم (( مؤثر منافس ))
- في الحالة B : المؤثر Y يختلف بنيويا عن مادة التفاعل حيث يتثبت على جزيئة الانزيم في موقع آخر غير الموقع الفعال ، مسببا تغير في نشاط الإنزيم و ربما تغيير في بنية الانزيم خاصة الموقع الفعال (( مؤثر غير منافس )) .

1

2 \* 0.5

1.5

2 \* 0.75